

Resumen de la conferencia impartida por el Profesor Luis Enjuanes “Evolución y patología de los coronavirus humanos: Desarrollo de vacunas y antivirales”

El día 12 de mayo el profesor de investigación Luis Enjuanes, director del laboratorio de coronavirus del Centro Nacional de Biotecnología del CSIC, pronunció la conferencia “Evolución y patología de los coronavirus humanos: Desarrollo de vacunas y antivirales” en la sede del Colegio y Asociación de químicos e ingenieros químicos de Madrid.

El doctor Enjuanes señaló la continua presencia de los virus en general entre los seres humanos y describió la estructura y expresión génica del coronavirus así como su gran genoma de ARN, siendo los murciélagos el reservorio común de todas las variantes de los coronavirus (alfa, beta, gamma, delta y épsilon) aunque los transmisores sean variados animales y personas.

Nombró las siete clases de coronavirus humanos conocidos, cuatro de los cuales ya se encuentran atenuados, señalando la altísima transmisión del SARS-CoV-2 frente al SARS-CoV-1 y al MERS-CoV, característica que le hace más patógeno como así demuestran los datos de infectados y mortalidad en 235 países.

Mostró gráficamente las lesiones patológicas causadas no solo en el tracto respiratorio sino en gran cantidad de órganos a diferencia de otros virus.

En cuanto al origen del SARS-CoV-2, sus primeras ubicaciones aparecieron al norte del río Yangtsé en el mercado de Huanan y se ha documentado la existencia de virus estrechamente relacionados con el mencionado, en murciélagos y pangolines en múltiples localidades del sudeste asiático, como en China, Tailandia, Camboya y Japón, destacando que en las jaulas metálicas de mapaches se encontraron virus con una identidad genética del 99,99% con SARS-CoV-2.



El Profesor expuso la posible evolución y permanencia del virus, así como de las distintas respuestas a la enfermedad por parte de individuos con similares cantidades de anticuerpos, debido a anomalías en el sistema inmune adaptativo.

Entre los métodos para combatirlo comentó que, la posibilidad de suprimir los genes de virulencia responsables de la gravedad por inhibir las defensas, es inviable en la actualidad debido a su estructura ARN.